

Ακολουθίες πρωτεϊνών και νουκλεϊκών οξέων. Ομοπαράθεση (alignment) ακολουθιών.
Αλγόριθμοι σύγκρισης. Διαδύκτιο - Βάσεις δεδομένων - Λογισμικό. Πρόβλεψη δομής.
Γενετικοί αλγόριθμοι
Εξοικείωση με βάσεις δεδομένων πρωτεϊνών-DNA. Πρόβλεψη δομής-λειτουργίας.
Εξελικτικά δένδρα.
Εικονικό εργαστήριο.

Διδάσκοντες: [Α. Ασιμινάς](#) , [Π. Μπαμίδης](#) , [Θ. Χολή-Παπαδοπούλου](#) , [Γ. Παπαδόπουλος](#)

Διδακτικές Μονάδες: 3

Μονάδες ICTS: 7.5